

Таксономия рода *Triticum* L.: от Ф. Кёрнике до наших дней
Гончаров Николай Петрович
г.н.с., д.б.н., академик РАН
Институт цитологии и генетики СО РАН, Сектор генетики пшениц
gonch@bionet.nsc.ru 28.11.2019

Цель современной таксономии - создать такую классификацию, которая отражала бы и филогенез, и генетическую структуру видов. В то же время, как и у большинства сельскохозяйственно-важных культур, для рода *Triticum* L. до сих пор однозначно не определены ни объем рода, ни объем видов. Этим обуславливается отсутствие общепризнанной во всем научном сообществе устоявшейся классификации рода (см. обзор Goncharov [2011]).

Возделываемые виды пшениц способны существовать только при помощи человека. Вероятно, и характеризующие эти виды таксономически значимые (классификационные) признаки были “закреплены” у них не без его помощи. По ним любой из культурных видов пшениц, как то *Triticum monococcum* L., *T. dicocum* (Schrank) Shuebl., *T. spelta* L. или *T. aestivum* L. из археологических раскопок каменного века или из современных коллекций, легко идентифицируется, т.е. их внешний облик (*hiatus*) за тысячелетия интенсивного культивирования не изменился. Ряд таких признаков, традиционно используемых при филогенетических построениях пшениц, может попадать под действие адаптивных и/или стохастических факторов и вследствие этого их эвристическая значимость может быть неодинаковой. К настоящему времени описано довольно значительное число генов, влияющих на архитектуру колоса растения пшениц (см. обзор, Konopatskaia et al. [2016]).

Кроме того, накопленные к настоящему времени данные о нуклеотидных последовательностях геномов видов пшениц позволяют не только с большой степенью достоверности установить филогенетические взаимоотношения в роде *Triticum* L. [Edet et al., 2018], но и провести временные оценки дивергенции видов.

В докладе обсуждаются полученные на настоящий момент времени результаты.

Благодарности: Работа была поддержана грантом РФФИ 16-16-10021П.

Литература

Edet O.U., Gorafi Y.S.A., Nasuda S., Tsujimoto H. DArTseq-based analysis of genomic relationships among species of tribe Triticeae // Scientific Reports. 2018. Vol. 8. P. 16397.

Goncharov N.P. Genus *Triticum* L. taxonomy: the present and the future // Plant Syst. Evol. 2011. V.295. P.1-11.

Konopatskaia I., Vavilova V., Blinov A., Goncharov N.P. Spike morphology genes in wheat species (*Triticum* L.) // Proc Latv Acad Sci B Nat Exact Appl Sci. 2016. V. 70. No.6 (705). P. 345-355.